

The Condor
Volume n107, No. 3
Agosto 2005
Resumenses

ARTÍCULOS

Evidencia Génica Múltiple para la Evolución y la Retención Paralela de Estados Morfológicos Ancestrales en Charadriiformes (Scolopacidae)

SÉRGIO LUIZ PEREIRA AND ALLAN J. BAKER

Department of Natural History, Royal Ontario Museum, 100 Queen's Park, Toronto, Ontario, M5S 2C6, and Department of Zoology, University of Toronto, Toronto, Ontario, M5S 1A1, Canada

Manuscript received 16 August 2004; accepted 4 March 2005.

¹E-mail: sergio.pereira@utoronto.ca

Resumen. Debido a que los estudios de sistemática basados en la morfología no resuelven completamente las relaciones filogenéticas de los Charadriiformes (Scolopacidae), obtuvimos secuencias de ADN mitocondrial (6349 bp) y nuclear (1315 bp) para 15 especies. Con base en análisis de máxima parsimonia y Bayesianos demostramos que *Catoptrophorus* y *Heteroscelus* están contenidos en *Tringa*, y así estos géneros deben unirse en *Tringa*. Análisis filogenéticos de 18 caracteres morfológicos mostraron un árbol parcialmente resuelto, por lo que decidimos rastrearlos en una filogenia molecular usando máxima verosimilitud para reconstruir los estados ancestrales. Doce de los caracteres morfológicos son homoplásticos o plesiomórficos, y sólo seis son filogenéticamente informativos, colocando a *Xenus* y *Actitis* fuera de los géneros restantes. La coloración brillante, amarilla y roja de la pierna del género *Tringa* es, respectivamente, un estado ancestral retenido y una adquisición paralela. Estimamos que la especiación ocurrió a principios del Mioceno y Plioceno usando una aproximación semi-paramétrica de verosimilitud penalizada para corregir la variación en la tasa de substitución del ADN entre los linajes evolutivos.