

COMENTARIO

Determinación de las Homologías Evolutivas de la Muda y el Plumaje: Un Comentario sobre Howell et al. (2003)

CHRISTOPHER W. THOMPSON¹

Washington Department of Fish and Wildlife, 16018 Mill Creek Blvd., Mill Creek, WA 98012, and Burke Museum, Box 353100, University of Washington, Seattle, WA 98195

Manuscript received 10 September 2003; accepted 23 September 2003.

¹E-mail: thompcwt@dfw.wa.gov

Resumen. Howell et al. (2003) aducen que el sistema Humphrey-Parkes (H-P) de terminología para la muda es erróneo porque requiere utilizar la primera muda prebásica como el punto de partida para la sucesión del plumaje, lo que resulta en falta de correspondencia entre la nomenclatura y las presuntas homologías en los primeros plumajes básicos. Sin embargo, el sistema H-P no requiere esto. Segundo, ellos argumentan que el color de plumaje puede ser un criterio engañoso para evaluar las homologías del plumaje, pero yo demuestro que el momento y la extensión de las mudas, y por tanto sus homologías, pueden documentarse con mayor exactitud utilizando el color del plumaje que no haciéndolo. Howell et al. (2003) proponen un sistema H-P revisado que implica aceptar su noción de que ninguna de las mudas del primer ciclo es homóloga con mudas prebásicas de ciclos de muda subsiguientes. Sin embargo, esto no es así, pues muchas especies tienen una muda en su primer ciclo que es homóloga a la muda prebásica definitiva. Adicionalmente, el sistema de Howell et al. (2003) no ofrece criterios nuevos o mejores para identificar las homologías que aquellos sugeridos por Humphrey and Parkes (1959), por lo que no representa un mejoramiento del sistema H-P. Las mudas y los plumajes del primer ciclo de la mayoría de las aves son poco conocidos. Por lo tanto, hasta que no se estudie la muda en muchas más especies de aves, no tendremos suficientes datos para determinar si nuevas mudas se han adicionado evolutivamente al primer ciclo como Howell et al. (2003) sugirieron. Más aún, dichos estudios deben hacerse en especies estrechamente relacionadas, no en aquellas filogenéticamente distantes como Howell et al. (2003) propusieron.