

*The Condor*  
Volumen 105, No. 2  
Mayo 2003  
Resúmenes

## ARTÍCULOS

### Filogeografía del ADN Mitocondrial del Complejo de *Thryothorus nigricapillus* MARIBEL A. GONZÁLEZ,<sup>1</sup> JESSICA R. EBERHARD,<sup>1,2</sup> IRBY J. LOVETTE,<sup>1,3</sup> STORRS L. OLSON<sup>4</sup> AND ELDREDGE BERMINGHAM<sup>1,5</sup>

<sup>1</sup>Smithsonian Tropical Research Institute, Naos Laboratories, Apartado 2072, Balboa, Republic of Panama

<sup>2</sup>Department of Biological Sciences and Museum of Natural History, Louisiana State University, Baton Rouge, LA 70803

<sup>3</sup>Cornell Laboratory of Ornithology, 159 Sapsucker Woods Rd, Ithaca, NY 14850

<sup>4</sup>Division of Birds, MRC 116, National Museum of Natural History, Smithsonian Institution, Washington DC, 20560

Manuscript received 29 July 2002; accepted 2 January 2003

<sup>5</sup>Corresponding author. E-mail: [eb@naos.si.edu](mailto:eb@naos.si.edu)

*Resumen.* *Thryothorus nigricapillus* se distribuye desde Costa Rica hasta Ecuador e incluye siete subespecies, de las cuales cinco se encuentran en las tierras bajas caribeñas de Panamá. Las subespecies varían en plumaje, con diferencias particularmente notables entre *Thryothorus nigricapillus* del occidente de Panamá (hacia el norte), y aquellos del oriente de Panamá (hacia el sur). Examinamos la variación entre secuencias de ADN mitocondrial (mtADN) de una muestra geográficamente amplia de *Thryothorus nigricapillus* y comparamos la estructura filogeográfica de la diversidad de mtADN con patrones previamente descritos de variación morfológica. Las reconstrucciones filogeográficas basadas en las secuencias de mtADN revelaron una división basal entre las poblaciones del este de Panamá y Sudamérica y entre las poblaciones que se encuentran desde el centro de Panamá hasta Costa Rica. Estos dos clados corresponden a las agrupaciones previamente definidas con base en caracteres morfológicos, dividiendo las subespecies de *T. nigricapillus* en dos grupos: el “grupo *castaneus*” (*costaricensis*, *odicus*, *castaneus* y *reditus*) y el “grupo *nigricapillus*” (*schottii*, *connectens* y *nigricapillus*). Entre los dos grupos ocurre intergradación morfológica en Panamá central, pero las formas intermedias tienen haplotipos de mtADN característicos del grupo *castaneus*, sugiriendo que el flujo genético mitocondrial es introgresivo de oeste a este. A pesar de la notable variación en tamaño corporal y plumaje entre las subespecies del grupo *castaneus*, la variación de mtADN dentro de este grupo fue baja. A un nivel filogenético más profundo, los datos de mtADN apoyan el reconocimiento de *T. semibadius* como especie. Este taxón ocasionalmente ha sido considerado coespecífico con *T. nigricapillus*, pero la marcada divergencia a nivel de mtADN entre estas especies es consistente con previas sugerencias de que la semejanza morfológica es resultado de convergencia en caracteres del plumaje.