

The Condor
Vol. 104, Número 2
Mayo 2002
Resúmenes

ARTÍCULOS

Polimorfismo en Microsatélites y Estructura Genética en Poblaciones de *Anas fulvigula*

CHRISTEN L. WILLIAMS^{1,3}, RICHARD C. BRUST² AND OLIN E. RHODES JR.¹

¹*Department of Forestry and Natural Resources, Purdue University, West Lafayette, IN 47906*

²*Florida Fish and Wildlife Conservation Commission, Waterfowl Management Section, 3200 T.M. Goodwin Rd., Fellsmere, FL 32948*

Manuscript received 15 April 2000; accepted 9 January 2002.

³Present address: National Wildlife Research Center, 4101 LaPorte Ave, Ft. Collins, CO 80521. E-mail: christen.l.williams@aphis.usda.gov

Resumen. Se tiene escaso conocimiento acerca de los efectos del aislamiento regional y de la pérdida de hábitat sobre la estructura genética de poblaciones de *Anas fulvigula*, un ave acuática no migratoria de distribución restringida. Nuestro objetivo fue identificar marcadores genéticos de ADN para *A. fulvigula* y determinar los niveles de subdivisión entre poblaciones en Florida. Examinamos 13 pares de iniciadores (i.e., primers) para microsatélites e identificamos seis loci que fueron variables en *A. fulvigula*. Estos marcadores revelaron un bajo nivel de diferenciación genética y un alto grado de intercambio genético entre cuatro subpoblaciones de *A. fulvigula* en Florida. Para todas las poblaciones, la heterocigocidad esperada en un locus varió entre 0.13–0.85 para los seis loci examinados. No hubo diferencias significativas en las frecuencias génicas entre las subpoblaciones examinadas, y el valor de F_{st} para los 5 loci biparentales no fue diferente de cero. Nuestros análisis de las poblaciones de *A. fulvigula* de Florida indicaron altos niveles de heterocigocidad y no mostraron evidencia de subdivisión genética entre las unidades reproductivas.